

シカの森林被害は土壤微生物にも波及する —大規模生態系操作実験と環境 DNA 分析の融合—

概要

現在、日本の森林では、多くの地域において、ニホンジカ（以下、シカ）の食害による植生の荒廃が深刻化しています。シカの食害が森林に与える影響を理解するためには、土壌を含む生態系全体への波及効果の分析が必要となります。植物が減ると土壌の性質や土壌微生物に影響を与え、その影響が植物自体に跳ね返ってくるため、土壌微生物の多様性が低下し、さらなる生態系の変化の引き金となる可能性があるからです。しかし、シカによる食害が、土壌微生物の多様性や種組成にどのような影響を与えるかは明らかになっていませんでした。京都大学白眉センター 門脇浩明 特定准教授、京都大学生態学研究センター 本庄三恵 准教授、京都大学農学研究科 中村直人 博士課程学生らの研究グループは、芦生（あしう）生物相保全プロジェクト（ABC プロジェクト）メンバーら（京都大学の高柳敦准教授らのグループを中心に、福島大学の福島慶太郎准教授・兵庫県立大学の藤木大介准教授・日本大学の井上みずき准教授・国立環境研究所の境優主任研究員ら）との共同研究を行いました。研究では、シカの食害を防ぐ大規模防鹿柵による生態系操作実験と、環境 DNA 分析のアプローチを組み合わせることで、防鹿柵による長期的な植生の回復・維持が土壌細菌・真菌の多様性を守ることにつながり、とくに、アーキア（古細菌）や担子菌類などの一部の微生物群の多様性を維持する効果があることを示しました。また、防鹿柵を設置していない対照区では防鹿柵内と比べて、動物病原菌が検出されやすくなるなど、従来報告されていなかった土壌微生物群集の変化を検出することに成功しました。今後は、こうした土壌微生物群集の変化が、植生の回復や維持にどのような影響を与えるのかを解明することで、シカの食害が生態系に与える影響の全貌に迫り、生態系回復に資する研究を展開する必要があります。本成果は、2023 年 11 月 28 日に国際学術誌「*Environmental DNA*」にオンライン掲載されました。



芦生研究林の防鹿柵の内部ではその外部と比べて豊かな植生が維持されており、その効果は土壌微生物にまで波及しうる。

1. 背景

シカによる森林被害は、生物多様性と生態系の機能に長期的かつ広範な影響を及ぼし、国内外で深刻化している問題です。シカによる植生の食害（過採食）は、植物種の多様性とバイオマスを減少させる直接的影響だけでなく、昆虫相などに間接的に影響するなど、生態系の波及効果を引き起こすと考えられます。このような間接的影響のひとつに、シカの食害が土壤微生物群集に対して与える影響が挙げられます。最近の研究では、土壤微生物が植生の多様性を維持し、遷移を促進することが示されています。したがって、土壤微生物群集がシカによってどのような影響を受けるのか、あるいはシカの影響からどのように保護されるのかを理解することは極めて重要です。それにもかかわらず、シカによる食害が土壤微生物の多様性或種組成にどのような影響を与えるかはこれまで明らかになっていませんでした。

2. 研究手法・成果

本研究の柱となっているのは、芦生生物相保全プロジェクト（略して ABC Project：<https://www.forestbiology.kais.kyoto-u.ac.jp/abc/>）です。芦生研究林では、2000 年前後より、過剰な密度で生息するニホンジカによって、森林下層植生が衰退しました。こうした森の危機に対し、植生を保全しつつ、生物相や生態系プロセスへの影響を明らかにすべく、ABC プロジェクトが設立されました。2006 年に、16ha の区域を防鹿柵で囲ってシカを排除する実験が開始されて以来、ABC プロジェクトはさまざまな研究に取り組み、これまで植物相、水質、水生昆虫相への影響を明らかにしてきました。この大規模生態系操作実験は、京都大学の高柳敦准教授らのグループを中心に、福島大学の福島慶太郎准教授・兵庫県立大学の藤木大介准教授・日本大学の井上みずき准教授・国立環境研究所の境優主任研究員らが主体となって進めてきました。2020 年からは、門脇浩明 白眉センター特定准教授らのグループが、この大規模防鹿柵サイトを活用し、シカによる食害の有無が土壤微生物にどのような影響を与えるのかを解明することを目指し、土壤微生物に関する本研究を実施しました。シカが排除され豊かな植生が回復・維持されている区域（シカ排除区）と、それに隣接し、シカの食害が続いている区域（対照区）において、土壌を採取し、環境 DNA メタバーコーディング解析（用語説明参照）によって土壤微生物群集（細菌やアーキア（古細菌）などの原核生物、ならびに担子菌類や子囊菌類（しのうきんるい）などの真菌類）の構造と組成を比較しました。その結果、アーキアと担子菌類の種数はシカ排除区の方が対照区よりも多く、細菌と子囊菌類についてはそのようなパターンは見られないことがわかりました。また、多様性の違いに加えて、土壌真菌群集を動物病原菌や菌根菌、腐生菌といった生態系での機能の観点で分類したグループに分けて調べると、シカ排除区よりも対照区において動物病原菌グループの存在量が多くなることが発見されました。このように、防鹿柵が土壤微生物群集に及ぼす影響は、微生物のグループごとに異なる複雑な反応によって特徴づけられますが、本研究は、シカの食害を防ぐことで、土壤微生物群の多様性を守ることができる可能性を示唆しています。

3. 波及効果、今後の予定

長期的にシカを排除する大規模生態系操作実験のサイトを活用し、シカによる食害の有無が土壤微生物にどのような影響を与えるのかという問題に迫ることができました。今後は、こうした土壤微生物群集の変化が植生の回復や維持にどのような影響を与えるのかを解明することで、シカの食害が生態系に与える影響の全貌に迫り、より効果的な生態系回復策の立案などに資する研究を展開していきたいと思っております。

4. 研究プロジェクトについて

白眉プロジェクト（門脇浩明，京都大学）

基盤研究 B（代表：門脇浩明）シカ食害が招く森林衰退：植物土壌フィードバックに着目して
(<https://kaken.nii.ac.jp/ja/grant/KAKENHI-PROJECT-21H02233/>)

<研究者のコメント>

数十ヘクタールの面積をカバーするような、生態系スケールの実験は、決して一人の力ではできません。生態系のさまざまな変化を捉えるには、長期的に広大な面積で実験を続けることも重要です。今回の研究は、ABC プロジェクトの研究メンバーや芦生研究林の教職員の方々の継続的なサポートなくして実現できませんでした。こうして得られた知見を積み重ね、シカによる森林被害の深刻化を食い止め、適切な森林管理をどのように実現していくべきかについて探求していきたいと思います。（門脇浩明）

用語説明

環境 DNA メタバーコーディング：環境中に含まれる DNA 全体(環境 DNA)を分析して、サンプル中に含まれる生物相を解明する手法。サンプル中に含まれる興味のある生物群について、サンプル中の DNA 配列を網羅的なプライマーセットで PCR 増幅した後、次世代シーケンスの DNA 配列を端から読みとる。得られた塩基配列をデータベースと照らし合わせ、DNA をバーコードのように使って生物群集の多様性や組成を解析することができる。

<論文タイトルと著者>

タイトル：eDNA metabarcoding analysis reveals the consequence of creating ecosystem-scale refugia from deer grazing for the soil microbial communities（シカによる植生の食害から生態系のリフュージアを作ることが土壌微生物群集に与える影響を環境 DNA メタバーコーディング解析によって解明する）

著者：門脇浩明^{1,2*}，本庄三恵³，中村直人²，北川陽一郎⁴，石原正恵⁴，松岡俊将⁴，立木佑弥⁵，福島慶太郎⁶，阪口翔太⁷，井上みずき⁸，藤木大介⁹，境優¹⁰，高柳敦²，山崎理正²，徳地直子⁴，高橋大樹¹¹，長澤耕樹⁷，増田和俊⁷

- 所属：1. 京都大学白眉センター
2. 京都大学大学院農学研究科
3. 京大生 生態学研究センター
4. 京都大学フィールド科学教育研究センター
5. 東京都立大学理学部
6. 福島大学食農学類
7. 京都大学大学院 人間・環境学研究科
8. 日本大学文理学部
9. 兵庫県立大学 自然・環境科学研究所
10. 国立研究開発法人国立環境研究所 福島地域協働研究拠点
11. 東北大学大学院農学研究科・川渡フィールドセンター

掲載誌： *Environmental DNA* DOI : <https://doi.org/10.1002/edn3.498>